

ΙΔΡΥΜΑ ΤΕΧΝΟΛΟΓΙΑΣ ΕΡΕΥΝΑΣ  
ΙΝΣΤΙΤΟΥΤΟ ΜΟΡΙΑΚΗΣ ΒΙΟΛΟΓΙΑΣ & ΒΙΟΤΕΧΝΟΛΟΓΙΑΣ  
Ν. Πλαστήρα 100, Βασιλικά Βουτών, 70013, Ηράκλειο  
Πληροφορίες: Σπυριδούλα Καραμάνου  
e-mail: [karamano@imbb.forth.gr](mailto:karamano@imbb.forth.gr)  
Τηλ. +30 2810 391167

7 Αυγούστου 2013

ΠΡΟΣΚΛΗΣΗ ΕΚΔΗΛΩΣΗΣ ΕΝΔΙΑΦΕΡΟΝΤΟΣ ΓΙΑ ΜΕΤΑΔΙΔΑΚΤΟΡΙΚΟ ΕΡΕΥΝΗΤΗ

**Τίτλος Έργου:** Θέση μεταδιδακτορικού ερευνητή, για το πρόγραμμα ΑΡΙΣΤΕΙΑ «Εξακρίβωση του μη-εγγενούς κώδικα της προπρωτεϊνικής στόχευσης και έκκρισης»

**Τόπος εκπόνησης έργου:** Ηράκλειο, Κρήτη, Ελλάδα

**Περιγραφή:** Μοριακή κλωνοποίηση / Απομόνωση πρωτεϊνών/ Βιοφυσικά πειράματα δέμευσης και δομής πρωτεϊνών/Ενζυμολογία

**Προσόντα υποψηφίων:** Οι ενδιαφερόμενοι θα πρέπει να πληρούν τα παρακάτω προσόντα:

1. Να είναι κάτοχοι πτυχίου Βιολογίας, Βιοχημείας ή συναφούς επιστήμης
2. Να είναι κάτοχοι Μεταπτυχιακού τίτλου εξειδίκευσης στην Πρωτεϊνική Βιοχημεία ή/και Πρωτεϊνική Βιοτεχνολογία
3. Να είναι κάτοχοι Διδακτορικού (PhD) με εξειδίκευση στη Μοριακή Βιολογία και Βιοχημεία Πρωτεϊνών
4. Να έχουν εργαστηριακή εμπειρία σε μοριακή κλωνοποίηση, μοριακή μικροβιολογία, απομόνωση και καθαρισμό πρωτεϊνών, ενζυμολογία, βιοφυσική πρωτεϊνών (ενδεικτικά: φθορισμομετρία, κυκλικό διχρωισμό, μέτρηση διαπρωτεϊνικών επιδράσεων, σκεδασμό φωτός laser), απομόνωση μεμβρανών, αναλυτική χρωματογραφία μοριακής διήθησης.
5. Να έχουν εμπειρία σε χρήση πακέτων λογισμικού δομής πρωτεϊνών (π.χ. PyMol, SwissPDBViewer), ανάλυσης δεδομένων (e.g. GraphPad prism, Origin).
6. Εμπειρία από συμμετοχή και παρουσιάσεις σε διεθνή συνέδρια.
7. Να έχουν άριστη γνώση της Αγγλικής γλώσσας.

**Αμοιβή:** Η αμοιβή του υποψήφιου μεταδιδακτορικού ερευνητή θα ανέρχεται στο συνολικό ποσό των €18.850,00 για 6.5 μήνες.

**Προθεσμία υποβολής ενδιαφέροντος:** 2 Σεπτεμβρίου 2013

**Εκδήλωση ενδιαφέροντος:** Οι ενδιαφερόμενοι/ες θα πρέπει να στείλουν ηλεκτρονικά ένα σύντομο υπόμνημα για τα προσόντα και την εμπειρία τους, με συνημμένα το βιογραφικό τους σημείωμα και δύο συστατικές επιστολές από καθηγητές ή ερευνητές που έχουν άμεση γνώση της εργαστηριακής τους απόδοσης.

**Επιβλέπων (PI):** Καθηγ. Αναστάσιος Οικονόμου

**Ινστιτούτο:** Μοριακής Βιολογίας και Βιοτεχνολογίας, Ίδρυμα Τεχνολογίας και Έρευνας

**Διεύθυνση:** Ν.Πλαστήρα 100, Βασιλικά Βουτών, Ηράκλειο, 70013

Τηλ.: +302810391166 | fax: +30 2810 391950, e-mail: [aeconom@imbb.forth.gr](mailto:aeconom@imbb.forth.gr)

**Website:** <http://ecoserver.imbb.forth.gr/> <http://profi.imbb.forth.gr/>

**Τηλέφωνο επικοινωνίας:** +30 2810 391167 (κα. Σπυριδούλα Καραμάνου)

**e-mail:** [karamano@imbb.forth.gr](mailto:karamano@imbb.forth.gr)

FOUNDATION FOR RESEARCH & TECHNOLOGY- HELLAS  
INSTITUTE OF MOLECULAR BIOLOGY & BIOTECHNOLOGY  
Nikolaou Plastira 100, Vasilika Vouton - 70013,  
Iraklio, Crete, Greece  
Info: Spyridoula Karamanou  
e-mail: [karamano@imbb.forth.gr](mailto:karamano@imbb.forth.gr)  
Tel. +30 2810 391167

7 August 2013

POSTDOCTORAL POSITION

**Call of interest for a postdoctoral position in the identification of the non-native code of pre-proteins**

The laboratory of Unicellular Organisms (<http://ecoserver.imbb.forth.gr/>) is seeking for a candidate to work as a Post-Doctoral fellow on a project entitled: "Identification of the non-native code in the docking and secretion of pre-proteins". The proposed fellowship is funded by the project "Nonaco" (ESPA) and is for duration of 6.5 months. The candidate will be involved extensively in Molecular Cloning, Protein purification and Biophysical experiments on protein structure and binding.

**Required qualifications:**

1. University degree in Biology/Biochemistry or related sciences.
2. MSc in Protein Biochemistry and/or Protein Biotechnology.
3. PhD in Protein Biochemistry and/or Protein Biotechnology.
4. Previous research experience in molecular cloning, molecular microbiology, protein purification, enzymology, protein biophysics, isolation and purification of membranes and size exclusion chromatography. Knowledge of the following methods is desirable: Laser light scattering, circular dichroism, quantitative protein binding on membranes.
5. Familiarity with computational tools used for the prediction of protein structures (e.g PyMol, SwissPDBViewer) and data processing (e.g GraphPad prism, Origin).
6. Past participation in Conferences.
7. Fluency in English.

**Deadline for applications:** 2 September 2013

